

A L'ATTENTION DE

Date de la demande :/...../...

Réservé à l'administration interne

CENTRE DEMANDEUR

PATHOLOGISTE	PRESCRIPTEUR CLINIQUE
Pathologiste :	Nom:
Centre :	Numéro INAMI:
Adresse :	Adresse:
Signature :

COORDONNEES DU PATIENT (EN MAJUSCULE)

Nom:	Sexe: Femme / Homme
Prénom:	Date de naissance :/...../.....
Adresse:	NISS :
.....	N° Mutuelle :

ECHANTILLON : informations techniques

Date de prélèvement :/...../.....	Votre référence Anapath :
Numéro administratif patient :	
Fixation : formol 10 % tamponné obligatoire excepté pour les prélèvements cytologiques	
Délai de fixation :	<input type="checkbox"/> < à 1h <input type="checkbox"/> > à 1h <input type="checkbox"/> inconnu
Durée de fixation :	<input type="checkbox"/> de 6h à 48 h <input type="checkbox"/> > 48 h <input type="checkbox"/> inconnue

IMMUNOHISTOCHEMIE

TAT 8 jours

ALK *	HER-2 Neu *	PDL1: clone SP263 *
ATRX	IDH1 muté * (R132H)	PLAG1
BAP1	INSM1	PR *
BCOR	MMR (MisMatch Repair : MLH1, MSH2, MSH6, PMS2)	PRAME
BRACHYURIE	OCT4	ROS1
C-KIT * (CD117)	P57	SALL4
EGFR *	PAN-TRK	SDH-A
ER *	PAX5	SDH-B
H3G34W	PAX8	SOX-10
H3K27/Me3	PDL1: clone 22C3	SOX-11
H3K36M	PDL1: clone SP142	Autre:

Remboursement INAMI à appliquer : Oui / Non

HYBRIDATION IN SITU sur automate

TAT 10 jours

<input type="checkbox"/>	EBER (Epstein-Barr Virus-encoded small RNA) *
<input type="checkbox"/>	HER-2 gene Amplification * <i>La lame IHC HER2 est à fournir avec la demande</i>
<input type="checkbox"/>	HPV Haut Risques sur coupes histologiques FFPE *
<input type="checkbox"/>	HPV Bas Risques sur coupes histologiques FFPE *

PCR – Polymerase Chain Reaction

TAT 15 jours

<input type="checkbox"/>	BRAF V600 (E/D/K/R)
<input type="checkbox"/>	H3F3A Mutation *
<input type="checkbox"/>	Méthylation du promoteur du gène MGMT*
<input type="checkbox"/>	MSI (Instabilité des microsatellites)
<input type="checkbox"/>	Réarrangement des immunoglobulines B *
<input type="checkbox"/>	Réarrangement récepteur T *

HYBRIDATION IN SITU - FISH

TAT 10 jours

<input type="checkbox"/>	1p19q (1p36/1q25 and 19q13/19p13) Deletion*
<input type="checkbox"/>	ALK (2p23) Break Apart* <i>Uniquement si immuno ALK positive</i>
<input type="checkbox"/>	BCL2 (18q21) Break Apart *
<input type="checkbox"/>	BCL6 (3q27) Break Apart *
<input type="checkbox"/>	CDKN2A (P16)(9p21) Deletion *

<input type="checkbox"/>	C-MYC (8q24) Break Apart *
<input type="checkbox"/>	Cocktail Mélanome (RREB1/CCND1/MYB/CEP6) *
<input type="checkbox"/>	COL1A1/PDGFB (t17;22)(q21;q13) Fusion *
<input type="checkbox"/>	DDIT3 (CHOP)(12q13) Break Apart*
<input type="checkbox"/>	EGFR (7p11.2-p12) Amplification
<input type="checkbox"/>	EWRS1 (22q12) Break Apart*

<input type="checkbox"/>	FUS (16p11) Break Apart*
<input type="checkbox"/>	MDM2 (12q15) Amplification*
<input type="checkbox"/>	MET (7q31.2) Amplification
<input type="checkbox"/>	ROS1 (6q22) Break Apart* <i>Uniquement si immuno ROS1 positive</i>
<input type="checkbox"/>	SS18 (SYT)(18q11.2) Break Apart*
<input type="checkbox"/>	USP6 (17p13) Break Apart *

NGS - Next Generation Sequencing

Diagnostic primaire
 Métastase
 Maladie récidivante

<input type="checkbox"/>	COLORECTAL GIST – Tissus mous GYNECO (hors BRCA) MELANOME NEURO ORL PANCREAS POUMON POUMON RESISTANCE SEIN THYROÏDE VASCULAIRE Autre:	NGS - Recherche mutationnelle (panel 44 gènes) * TAT 10 jours <i>AKT1, AKT2, AKT3, ALK, BRAF, CDKN2A, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB3, ESR1, EZH2, FGFR2, FGFR3, FOXL2, GNA11, GNA14, GNAQ, GNAS, H3F3A, HIST1H3B, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MAP3K3, MET, mTOR, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PIK3R1, PIK3R2, POLE, PTCH1, PTEN, RAC1, RET, STK11, TEK, TERT, TP53</i> Quel que soit l'organe ou le type de tumeur, la globalité des 44 gènes est analysée
--------------------------	---	---

<input type="checkbox"/>	PANEL BRCA	NGS* BRCA1, BRCA2	TAT 20 jours
--------------------------	------------	-------------------	--------------

<input type="checkbox"/>	GENES DE FUSION	NGS - Recherche de fusion (panel 13 gènes) * TAT 20 jours <i>ALK, BRAF, EGFR et EGFR Exon 14 skipping, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, ROS1</i> Quel que soit l'organe ou le type de tumeur, la globalité des 13 gènes est analysée
--------------------------	-----------------	--

DEMANDE DE TYPAGE HPV* sur CYTOLOGIE

TAT 15 jours

Avec REMBOURSEMENT INAMI

Dépistage et après double lecture :
Diagnostic d'ASC-US, ASC-H, AGC

Avec REMBOURSEMENT INAMI

- Suivi d'un résultat antérieur d'ASC-US, ASC-H, AGC
- Suivi après traitement de CIN-II, CIN-III ou AIS avec examen cytologique négatif

Hors REMBOURSEMENT INAMI

A préciser :